



Plateforme Gentyane

Atelier PGD Ibisa : retour d'expériences Charles PONCET / Vincent PAILLER

2 février 2023

https://www.inrae.fr/inrae-genomics/infragenomique@inrae.fr
@inrae_genomics



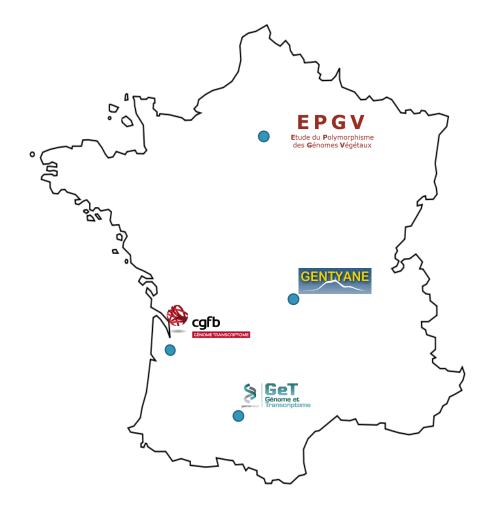




Contexte







• Création 2003







• Ibisa 2009



UCA PARTNER

Membre d'INRAE Genomics

• Membre d'UCA Partner



• Membre du noyau central du PIA France Génomique



• Membre du Vertebrate Genome Project



THE VGP GENOMES ARE AMONG THE MOST COMPLETE REFERENCE GENOMES For their species and will be stored and publicly available in the Genome ark database. A digital open-access library of genomes.





• PEPR 2022 Agroecology and ICT sub-project AgroDiv (JS)













Gentyane Team



Equipe de 13 personnes :

- Jérôme Salse (RS)
- Charles PONCET (RO)
- Michaela West (CDI BionanoGenomics)
- Pauline Izorche
- Véronique Gautier
- Delphine Boyer
- Elodie Belmonte
- Carole Confolent
- Lydia Jaffrelo
- Lucy Garraud
- Vincent Pailler
- Carole Goumy (PUPH CHU CF)
- Kevin Callawaere (Stagiaire Master)

- 1 Directeur de Recherche (DS)
- 6 ingénieurs
- 1 assistante ingénieur
- 4 techniciennes
- 1 stagiaire Master



Origine des postes : Personnels permanents affectés par le département INRA BAP, CDI Bionano Genomics, CDD sur ressources propres



Missions et activités de Gentyane : bilan 2021



Recherche et Développements technologiques

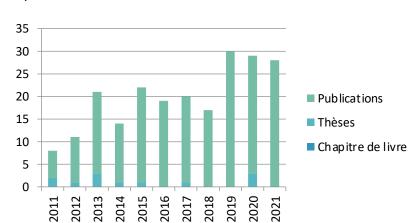
- ✓ Test , acquisition, validation et optimisation de nouvelles technologies
- ✓ Participation contrats de recherche privé et public
- ✓ Soutien développements technologiques unité GDEC

Presta./Collaboration : bilan 2021

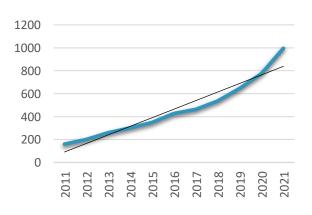
- √ 1200 projets : INRAE (45%), Académique (17%), Privés (28%) sur plantes (60%) et autres espèces : 160 projets en 2021
- √ 3,5 M € de recettes en 2021
- √ 355 runs PacBio en 2021 (env 700 To)
- √ 100000 échantillons traités

Formation, Valorisation

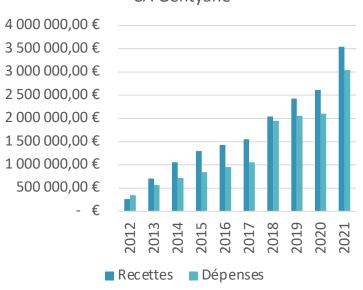
- ✓ Formation clients, utilisateurs
- ✓ Séminaires
- ✓ Publications scientifiques



Evolution du nombre de prestations de 2008 à 2019



CA Gentyane





Equipements



Génotypage SNP (LC480, Fluidigm Biomark HD,
 Juno et Biomark X, GBS AgriSeq Thermo
 2 Affymetrix Genetitan Axiom format 96 et 384)
 (service provider Affymetrix France)





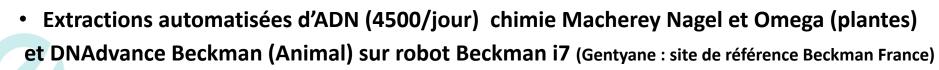
 Séquençage Massif
 2 Pacific Biosciences Sequel 8M (Service Provider)



Carte Optique
 Bionano Genomics
 2 Saphyr (Service Provider)













MapMing Gentyane

viral nervous necrosis in three populations of

European sea bass (Dicentrarchus labrax) using a

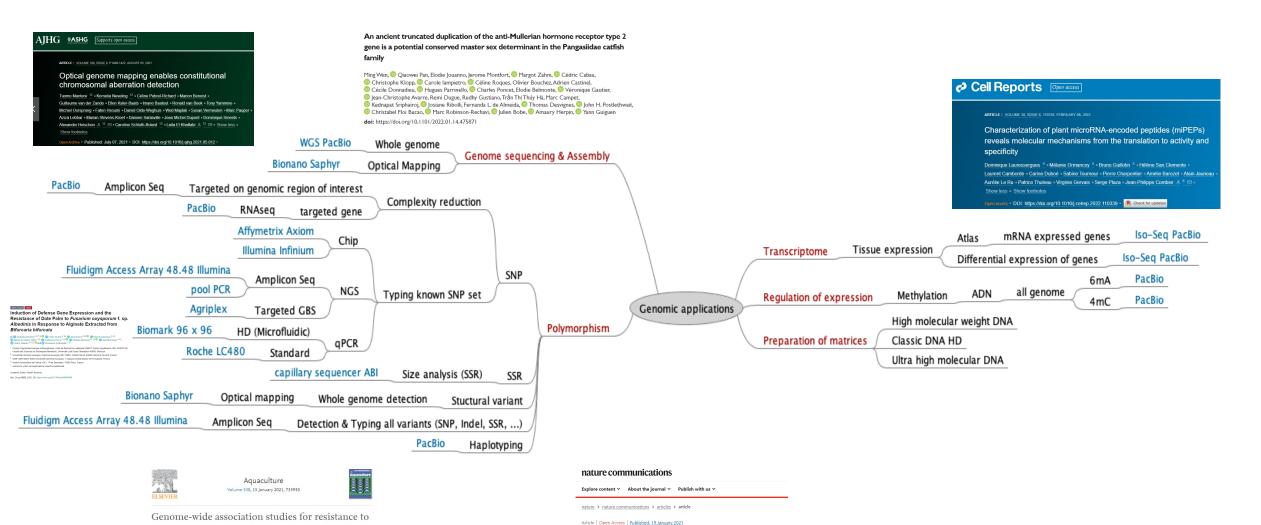
Ronan Griot ^{a, b, c}, François Allal ^c, Florence Phocas ^b, Sophie Brard-Fudulea ^d, Romain Morvezen ^a, Anastasia Bestin

a, Pierrick Haffray a, Yoannah François a, Thierry Morin f, Charles Poncet a, Alain Vergnet C, Sophie Cariou B, Joseph

Brunier h, Jean-Sébastien Bruant €, Bruno Peyrou h, Pierre-Alexandre Gagnaire i, Marc Vandeputte h, c A 🖼

novel 57k SNP array DlabChip





A wheat cysteine-rich receptor-like kinase confers

broad-spectrum resistance against Septoria tritici

Cyrille Saintenac ☑, Florence Cambon, Lamia Aouini, Els Verstappen, Seyed Mahmoud Tabib Ghaffary,

Théo Poucet, William Marande, Hélène Berges, Steven Xu, Maëlle Jaouannet, Bruno Favery, Julien

Alassimone, Andrea Sánchez-Vallet, Justin Faris, Gert Kema, Oliver Robert & Thierry Langin

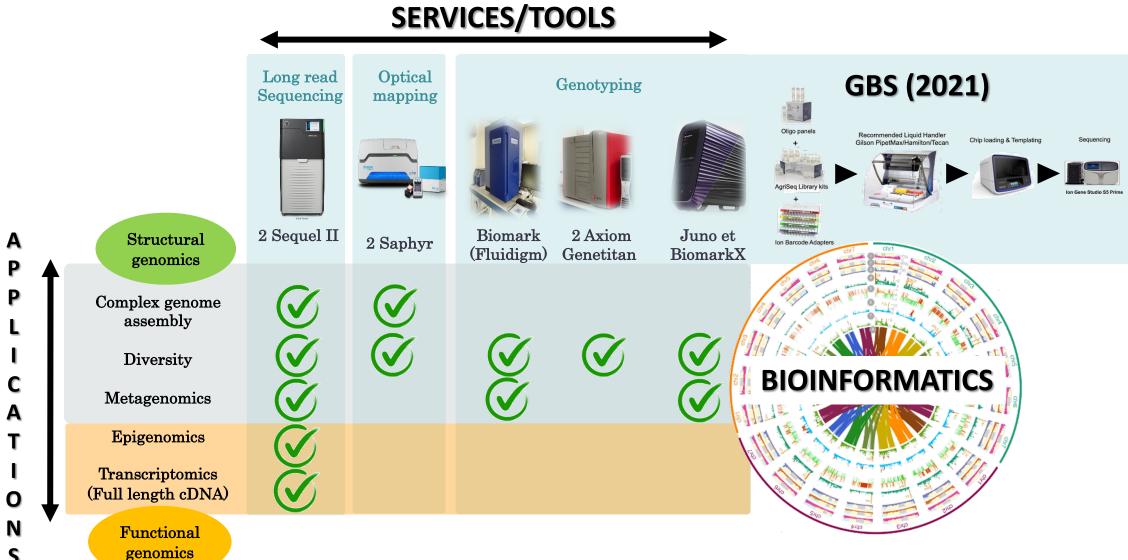
Nature Communications 12, Article number: 433 (2021) | Cite this article

blotch



Stratégie Scientifique





PGD et Données (FAIRisation)



Nouveaux questionnements liés aux données:

- Nouveaux modes de stockage & centralisation (solution nationale-locale, cloud ?)
 permettant la meilleure exploitation (et limité dans le temps en local)
- Cadre-Format Open-FAIR assurant le respect de standards pour l'interdisciplinarité:

Findable (entrepôts de stockage?)
Accessible (protocoles unifiés?)
Interoperable (vocabulaire-ontologie?)
Reusable (standards de la communauté?)

• **PGD** (ANR, H2020): OPIDoR.



- → AgroDataRing, Data INRAE, DataVerse & réseau de Correspondants-Référents (DIPSO)
- → Réflexion au sein et entre ISC-IRD



Gentyane : Gestion des données



Structural genomics

Complex genome assembly

Diversity

Metagenomics

Epigenomics

Transcriptomics (Full length cDNA)

Functional genomics

- 1-Stockage-Access: DataINRAE
- → Quel(s) stockage(s) à Quels couts ? en fonction de la nature (court/moyen/long terme) des données ?

- 2-Gestion: PGD & FAIRisation
- → Quels protocoles (ontologies) / Quel référencement (SRA-DOI) ?
- 3-Analyse: Données brutes vers CNV-PAV-DEG-DMR...
- → Quels outils / Comment associer les compétences (Unités/dpt.) ?
- 4-Intégration: Centraliser la totalité des données produites
- → Veille contractuelle sur les conventions avec les partenaires privés

INRAO GEN MICS